

2015年度第1期

新規

課題番号	氏名	代表者所属	課題タイトル
SCLS 201501001	佐藤 文俊	東京大学 生産技術研究所	分散並列計算機における第三世代密度汎関数計算プログラムの開発と評価
SCLS 201501002	宮下 尚之	近畿大学 生物理工学部	拡張アンサンブルインターフェースプログラムの開発と生体分子シミュレーションへの応用
SCLS 201501003	山本 典史	千葉工業大学 工学部	プリンヌクレオチド生合成系における酵素反応機構の理論的解析
SCLS 201501004	黒田 裕	東京農工大学 大学院工学研究院	複数ペプチド系の全原子分子動力学シミュレーションを用いたアミロイド形成機構の解析
SCLS 201501005	藤井 浩	農業・食品産業技術総合研究機構 果樹研究所	遺伝子ネットワーク解析を用いたカンキツのカロテノイド代謝酵素遺伝子群を制御するキー遺伝子の推定
SCLS 201501006	田中 成典	神戸大学 大学院システム情報学研究科	生命の起源に関する第一原理的ボトムアップシミュレーション
SCLS 201501007	田中 学	千葉大学 大学院工学研究科	鼻腔内遷移流れの直接数値シミュレーション

継続

課題番号	氏名	代表者所属	課題タイトル
SCLS 201301005	秋山 泰	東京工業大学 大学院情報理工学研究科	次世代シーケンサデータ解析のための情報処理システムの開発
SCLS 201301009	福地 知則	理化学研究所 ライフサイエンス技術基盤研究センター	大規模モンテカルロ・シミュレーションによる核医学イメージングの研究
SCLS 201301010	松永 康佑	理化学研究所 計算化学研究機構	細胞環境中の分子シミュレーションとその為の新規手法開発
SCLS 201301014	須永 泰弘	理化学研究所 次世代計算科学研究開発プログラム	細胞シミュレーション統合プラットフォームの開発
SCLS 201301016	宮野 悟	東京大学 医科学研究所ヒトゲノム解析センター	大規模生命データ解析
SCLS 201301101	百武 徹	横浜国立大学大学院工学研究院	テラーメイド型人工赤血球の酸素運搬効果の予測評価に関する解析技術の確立
SCLS 201301103	水口 賢司	医薬基盤研究所	蛋白質複合体の相互作用予測に基づく薬剤候補分子のスクリーニング手法の構築
SCLS 201301104	志水 隆一	NPO法人バイオグリッドセンター関西	並列計算機を用いた創薬関連ソフトウェアの利用と創薬現場での利用可能性の検討
SCLS 201301107	陶山 明	東京大学 大学院 総合文化研究科	一本鎖核酸の塩基スタッキングの安定性

2015年度第1期

SCLS 201302102	坪田 健一	千葉大学 大学院工学研究科	血栓症バイオメカニクスの大規模計算機シミュレーション
SCLS 201302104	世良 俊博	九州大学 大学院工学研究院	数値解析と実験的解析を融合させた細胞内タンパク質移動メカニズムの検討
SCLS 201302105	土井 淳	株式会社セルイノベーター	多様な遺伝子セットによる遺伝子ネットワーク推定
SCLS 201401002	米澤 康滋	近畿大学 先端技術総合研究所	緑色蛍光蛋白質の蛍光機構等の解明および機能改変を目指した大規模並列マルチレベル分子動力学シミュレーションプログラムの開発整備
SCLS 201401003	鷹羽 健一郎	旭化成ファーマ株式会社	分子動力学計算を用いたアロステリック部位の探索
SCLS 201401004	石井 一夫	東京農工大学 農学府農学部	エピゲノミクスとトランスクリプトミクスを統合した精神神経系疾患診断系の開発
SCLS 201401005	高木 達也	大阪大学 大学院薬学研究科	アンチセンス核酸配列設計を指向したmRNA三次元構造予測
SCLS 201402001	油谷 克英	理化学研究所 放射光科学総合研究センター	変性状態における蛋白質構造のMDシミュレーション
SCLS 201402002	南茂 隆生	独立行政法人 国立国際医療研究センター研究所	隣ランゲルハンス島の遺伝子ネットワーク推定
SCLS 201402003	妹尾 昌治	岡山大学 大学院自然科学研究科	ドッキングと分子動力学シミュレーションを組み合わせた効率的バーチャルスクリーニング法の開発

2014年度第2期

課題番号	氏名	代表者所属	課題タイトル
SCLS 201402001	油谷 克英	理化学研究所 放射光科学総合研究センター	変性状態における蛋白質構造のMDシミュレーション
SCLS 201402002	南茂 隆生	独立行政法人 国立国際医療研究センター研究所	腓ランゲルハンス島の遺伝子ネットワーク推定
SCLS 201402003	妹尾 昌治	岡山大学 大学院自然科学研究科	ドッキングと分子動力学シミュレーションを組み合わせた効率的バーチャルスクリーニング法の開発

2014年度第1期

新規

課題番号	氏名	代表者所属	課題タイトル
SCLS 201401001	田中 成典	神戸大学 大学院システム情報学研究科	電子状態計算に立脚した構造ベース創薬支援技術プラットフォームの構築
SCLS 201401002	米澤 康滋	近畿大学 先端技術総合研究所	緑色蛍光蛋白質の蛍光機構等の解明および機能改変を目指した大規模並列マルチレベル分子動力学シミュレーションプログラムの開発整備
SCLS 201401003	鷹羽 健一郎	旭化成ファーマ株式会社	分子動力学計算を用いたアロステリック部位の探索
SCLS 201401004	石井 一夫	東京農工大学 農学府農学部	エピゲノミクスとトランスクリプトミクスを統合した精神神経系疾患診断系の開発
SCLS 201401005	高木 達也	大阪大学 大学院薬学研究科	アンチセンス核酸配列設計を指向したmRNA三次元構造予測

継続

課題番号	氏名	代表者所属	課題タイトル
SCLS 201301005	秋山 泰	東京工業大学 大学院情報理工学研究科	次世代シーケンサデータ解析のための情報処理システムの開発
SCLS 201301008	阿久津 達也	京都大学 化学研究所	大規模並列計算機によるタンパク質相互作用および化学構造解析
SCLS 201301009	福地 知則	理化学研究所 分子イメージング科学研究センター	大規模モンテカルロ・シミュレーションによる核医学イメージングの研究
SCLS 201301010	宮下 尚之	理化学研究所 生命システム研究センター	細胞環境中の分子シミュレーションとその為の新規手法開発
SCLS 201301012	杉田 有治	理化学研究所 基幹研究所 杉田理論分子科学研究室	細胞内分子ダイナミクスのシミュレーション
SCLS 201301013	越山 顕一郎	大阪大学 大学院基礎工学研究科	衝撃波による脂質膜構造変化のMDシミュレーション
SCLS 201301014	須永 泰弘	理化学研究所 次世代計算科学研究開発プログラム	細胞シミュレーション統合プラットフォームの開発
SCLS 201301016	宮野 悟	東京大学 医科学研究所ヒトゲノム解析センター	大規模生命データ解析
SCLS 201301101	百武 徹	横浜国立大学 大学院工学研究院	テラーメイド型人工赤血球の酸素運搬効果の予測評価に関する解析技術の確立
SCLS 201301102	滝沢 研二	早稲田大学高等研究所	Development of Computer Modeling Techniques for Patient-Specific Cardiovascular FSI
SCLS 201301103	水口 賢司	医薬基盤研究所	蛋白質複合体の相互作用予測に基づく薬剤候補分子のスクリーニング手法の構築
SCLS 201301104	志水 隆一	NPO法人バイオグリッドセンター関西	並列計算機を用いた創薬関連ソフトウェアの利用と創薬現場での利用可能性の検討
SCLS 201301106	フィン クアン フィ ヴィエト	岡山大学 大学院環境生命科学研究科	血流の数値シミュレーションにおける非圧縮性ナビエ-ストークス方程式の並列解法と評価
SCLS 201301107	陶山 明	東京大学 大学院 総合文化研究科	一本鎖核酸の塩基スタッキングの安定性
SCLS 201302102	坪田 健一	千葉大学 大学院工学研究科	血栓症バイオメカニクスの大規模計算機シミュレーション
SCLS 201302104	世良 俊博	九州大学 大学院工学研究院	数値解析と実験的解析を融合させた細胞内タンパク質移動メカニズムの検討
SCLS 201302105	土井 淳	株式会社セルイノベーター	多様な遺伝子セットによる遺伝子ネットワーク推定

2013年度第2期

課題番号	氏名	代表者所属	課題タイトル
SCLS 201302101	須山 幹太	九州大学虫体防御医学研究所	遺伝子発現制御の理解に向けたクロマチンの特徴の包括的解析
SCLS 201302102	坪田 健一	千葉大学 大学院工学研究科	血栓症バイオメカニクスの大規模計算機シミュレーション
SCLS 201302103	國吉 康夫	東京大学 情報理工学系研究科	発達障害のメカニズムの解明のための精緻な胎児シミュレータの開発
SCLS 201302104	世良 俊博	九州大学大学院 工学研究院	数値解析と実験的解析を融合させた細胞内タンパク質移動メカニズムの検討
SCLS 201302105	土井 淳	株式会社セルイノベーター	多様な遺伝子セットによる遺伝子ネットワーク推定

2013年度第1期

課題番号	氏名	代表者所属	課題タイトル
SCLS 201301101	百武 徹	横浜国立大学 大学院工学研究院	テーラーメイド型人工赤血球の酸素運搬効果の予測評価に関する解析技術の確立
SCLS 201301102	滝沢 研二	早稲田大学高等研究所	Development of Computer Modeling Techniques for Patient-Specific Cardiovascular FSI
SCLS 201301103	水口 賢司	独立行政法人 医薬基盤研究所	蛋白質複合体の相互作用予測に基づく薬剤候補分子のスクリーニング手法の構築
SCLS 201301104	志水 隆一	NPO法人バイオグリッドセンター関西	並列計算機を用いた創薬関連ソフトウェアの利用と創薬現場での利用可能性の検討
SCLS 201301105	安尾 和也	塩野義製薬株式会社	量子化学 を取り入れた結合親和性予測能の改善
SCLS 201301106	フィン クァン フィ	岡山大学 大学院環境生命科学研究科	血流の数値シミュレーションにおける非圧縮性ナビエ-ストークス方程式の並列解法と評価
SCLS 201301107	陶山 明	東京大学 大学院総合文化研究科	一本鎖核酸の塩基スタッキングの安定性
SCLS 201301108	林 拓也	理化学研究所 ライフサイエンス技術基盤研究センター	高速並列演算による非侵襲的脳画像の機能的脳内ネットワーク解明

2012年度第1期

課題番号	氏名	代表者所属	課題タイトル
SCLS 201301001	佐々木 直文	国立遺伝学研究所	最尤系統樹推定プログラムの開発
SCLS 201301002	竹内 賢吾	公益財団法人 がん研究会 がん研究所	融合遺伝子同定法の最適化
SCLS 201301003	泰地 真弘人	理化学研究所 生命システム研究センター	計算科学推進体制構築 研究支援体制による高度化支援利用
SCLS 201301004	浅井 義之	沖縄科学技術大学院大学 オープンバイオロジーユニット	SBML, PHML対応汎用シミュレーターFlintの 「京」互換アーキテクチャへの対応開発
SCLS 201301005	秋山 泰	東京工業大学 大学院情報理工学研究科	次世代シーケンサデータ解析のための情報処理 システムの開発
SCLS 201301006	佐藤 文俊	東京大学 生産技術研究所	分散メモリ型超並列計算機を用いたカノニカル 分散軌道計算による創薬基盤技術の開発
SCLS 201301007	田村 隆	岡山大学 大学院環境生命科学研究所	好気的条件下で水素製造反応を触媒するヒド ロゲナーゼのぶんし設計
SCLS 201301008	阿久津 達也	京都大学 化学研究所	大規模並列計算機によるタンパク質相互作用 および化学構造解析
SCLS 201301009	福地 知則	理化学研究所 分子イメージング科学研究センター	大規模モンテカルロ・シミュレーションによる核 医学イメージングの研究
SCLS 201301010	宮下 尚之	理化学研究所 生命システム研究センター	細胞環境中の分子シミュレーションとその為の 新規手法開発
SCLS 201301011	大野 洋介	理化学研究所 生命システム研究センター	分子動力学計算コアプログラムの検証
SCLS 201301012	杉田 有治	理化学研究所 基幹研究所 杉田理論分子科学研究室	細胞内分子ダイナミクスのシミュレーション
SCLS 201301013	越山 顕一郎	大阪大学 大学院基礎工学研究科	衝撃波による脂質膜構造変化のMDシミュレ ーション
SCLS 201301014	須永 泰弘	理化学研究所 次世代計算科学研究開発プログラム	細胞シミュレーション統合プラットフォームの開 発